

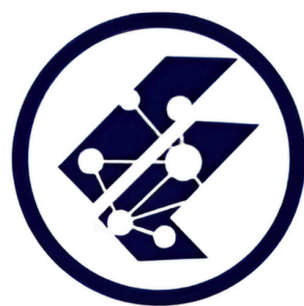


LEGUN
B I O T E C N O L O G I A

TECNOLOGIA LEGUN DE TRATAMENTO DE LODOS E EFLUENTES

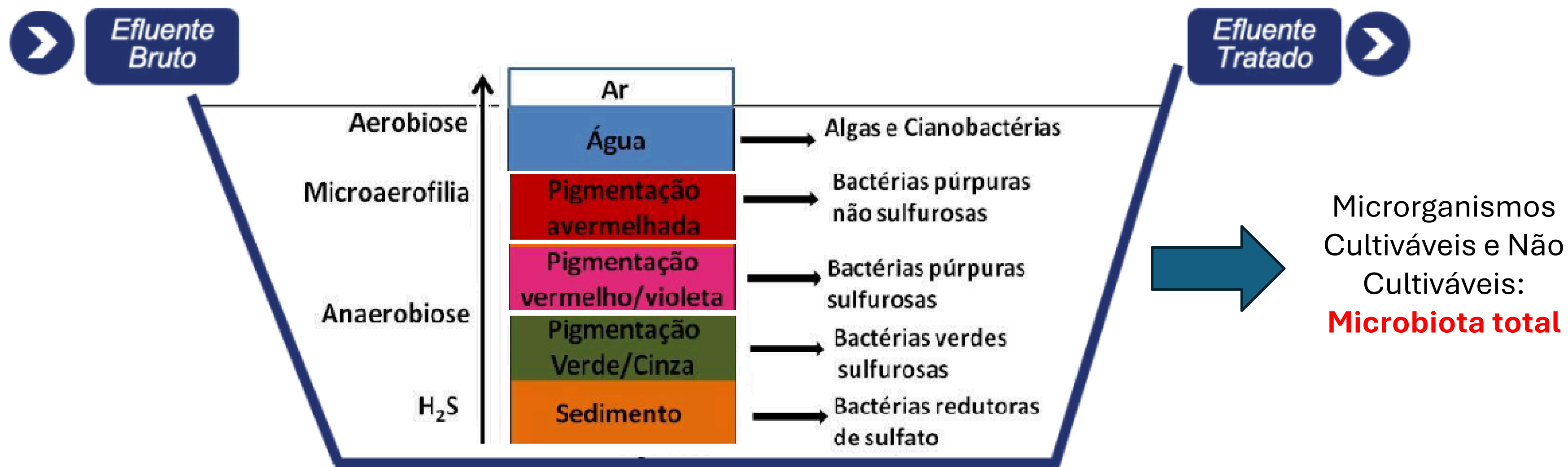
**Tecnologia LEGUN para Monitoramento Microbiano Total: mais dados,
mais segurança, mais eficiência no tratamento de lagoas anaeróbias.**

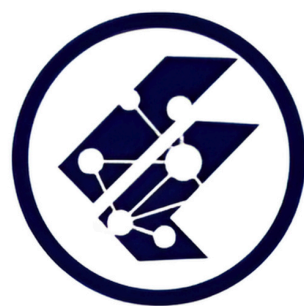
2025



LEGUN
BIOTECNOLOGIA

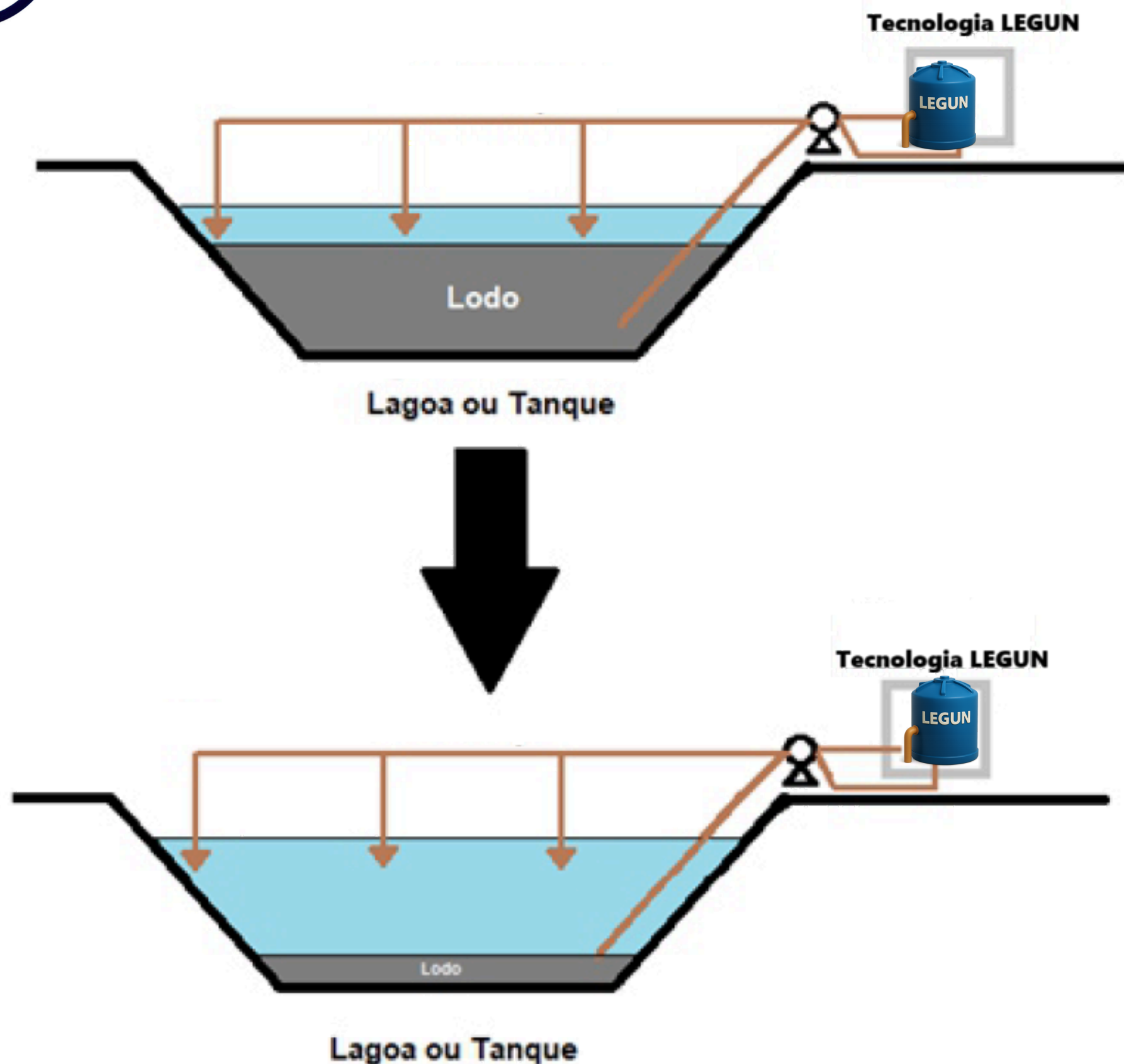
Introdução: Estratificação de Microorganismos na Lagoa Anaeróbia



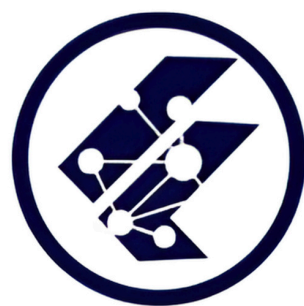


LEGUN
BIOTECNOLOGIA

TECNOLOGIA LEGUN

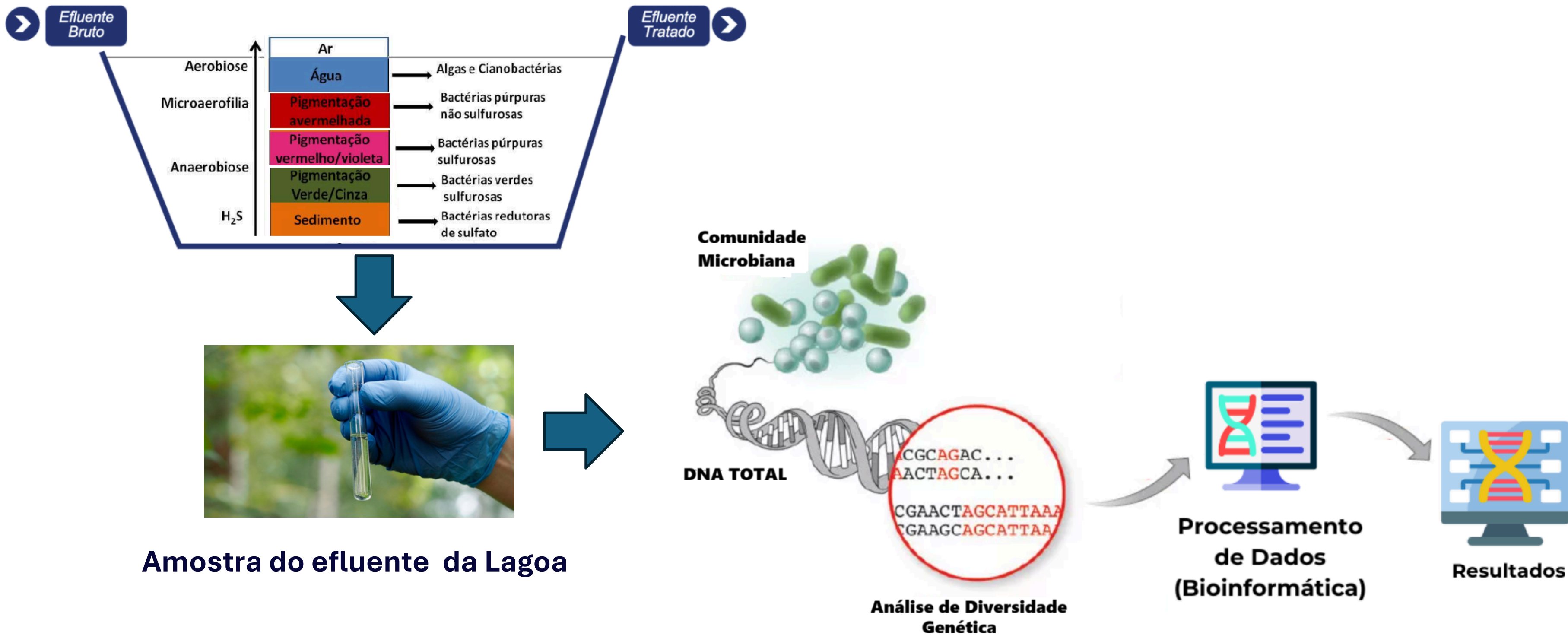


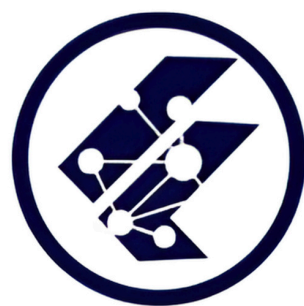
- Técnica exclusiva da LEGUN de Bioaumentação de microbiota Integral no local de ocorrência;
- Diminuição de até 90% do lodo;
- Diminuição de DBO e DQO acima de 80%;
- Atendimento às Legislações Ambientais;
- Projeto de Médio e Longo Prazo;
- Viabilidade Técnica e Financeira;
- Técnica com Pedido de Patente - INPI



LEGUN
BIOTECNOLOGIA

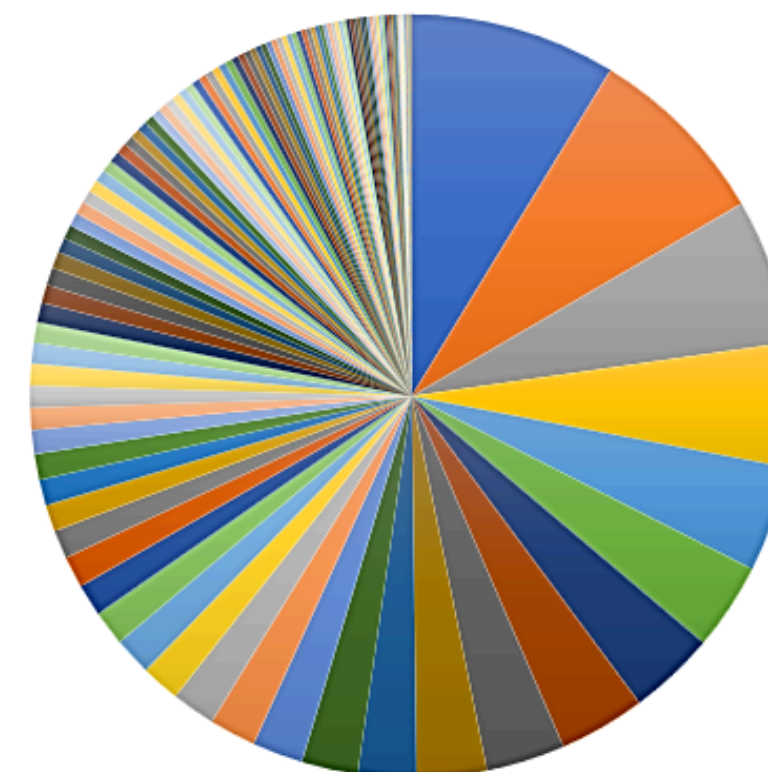
Biotecnologia de Ponta na Análise de Diversidade Microbiana no Tratamento LEGUN





Classificação das Populações Microbianas

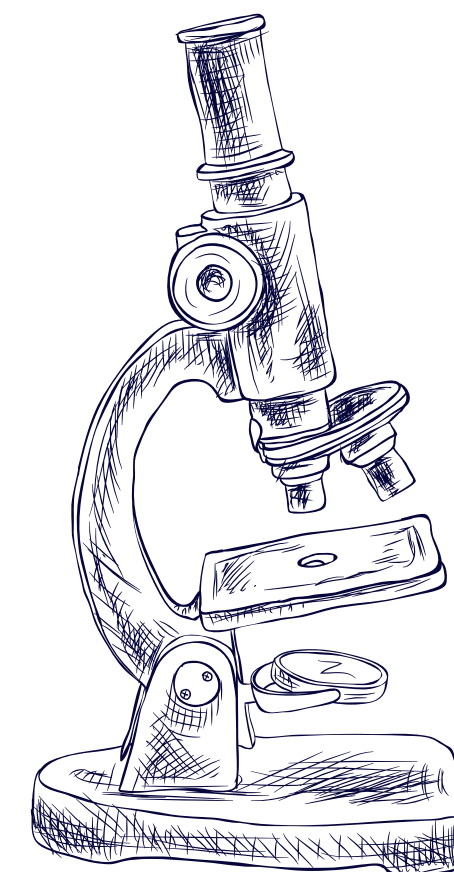
Grupos	%
D_0_Bacteria;D_1_Bacteroidetes;D_2_Bacteroidia;D_3_Bacteroidales;D_4_Bacteroidetes vadinHA17;D_5_uncultured bacterium	8,722
D_0_Bacteria;D_1_Caldiserica;D_2_Caldisericia;D_3_Caldisericales;D_4_Caldiseriaceae;D_5_Caldisericum	7,876
D_0_Bacteria;D_1_Firmicutes;D_2_Clostridia;D_3_Clostridiales;D_4_Clostridiaceae 1;D_5_Clostridium sensu stricto 12	6,146
D_0_Bacteria;D_1_Bacteroidetes;D_2_Bacteroidia;D_3_Bacteroidales;D_4_Bacteroidetes vadinHA17;Other	5,240
D_0_Bacteria;D_1_Firmicutes;D_2_Clostridia;D_3_Clostridiales;D_4_Clostridiaceae 1;D_5_Clostridium sensu stricto 11	4,498
D_0_Bacteria;D_1_Proteobacteria;D_2_Deltaproteobacteria;D_3_Syntrophobacterales;D_4_Syntrophaceae;D_5_Smithella	3,682
D_0_Bacteria;D_1_Bacteroidetes;D_2_Bacteroidia;D_3_Sphingobacteriales;D_4_Lentimicrobiaceae;D_5_uncultured bacterium	3,667
D_0_Bacteria;D_1_Chloroflexi;D_2_Anaerolineae;D_3_Anaerolineales;D_4_Anaerolineaceae;D_5_Leptolinea	3,659
D_0_Bacteria;D_1_Spirochaetes;D_2_Spirochaetia;D_3_Spirochaetales;D_4_Spirochaetaceae;D_5_uncultured	3,348
D_0_Bacteria;D_1_Firmicutes;D_2_Clostridia;D_3_Clostridiales;D_4_Clostridiaceae 1;D_5_Clostridium sensu stricto 1	2,962
D_0_Bacteria;D_1_Chloroflexi;D_2_Anaerolineae;D_3_Anaerolineales;D_4_Anaerolineaceae;Other	2,472
D_0_Bacteria;D_1_Acidobacteria;D_2_Subgroup 6;Ambiguous_taxa;Ambiguous_taxa;Ambiguous_taxa	2,383
D_0_Bacteria;D_1_Firmicutes;D_2_Clostridia;D_3_Clostridiales;D_4_Clostridiaceae 1;Other	2,145
D_0_Bacteria;D_1_Cyanobacteria;D_2_Oxyphotobacteria;D_3_Chloroplast;Other;Other	1,974
D_0_Bacteria;D_1_Elusimicrobia;D_2_Endomicrobia;D_3_Endomicrobiales;D_4_Endomicrobiaceae;D_5_Candidatus Endomicrobium	1,856
D_0_Bacteria;D_1_Chloroflexi;D_2_Anaerolineae;D_3_Anaerolineales;D_4_Anaerolineaceae;D_5_Anaerolineaceae UCG-001	1,640
D_0_Bacteria;D_1_Acidobacteria;D_2_Acidobacteriia;D_3_Solibacterales;D_4_Solibacteraceae (Subgroup 3);D_5_Candidatus Solibacter	1,611
D_0_Bacteria;D_1_Firmicutes;D_2_Clostridia;D_3_Clostridiales;D_4_Syntrophomonadaceae;D_5_Syntrophomonas	1,470
D_0_Bacteria;D_1_Chloroflexi;D_2_Anaerolineae;D_3_Anaerolineales;D_4_Anaerolineaceae;D_5_uncultured	1,366
D_0_Bacteria;D_1_Bacteroidetes;D_2_Bacteroidia;D_3_Bacteroidales;D_4_Prolixibacteraceae;D_5_uncultured	1,336
D_0_Bacteria;D_1_Proteobacteria;D_2_Deltaproteobacteria;D_3_Syntrophobacterales;D_4_Syntrophaceae;D_5_Syntrophus	1,202
D_0_Bacteria;D_1_Proteobacteria;D_2_Deltaproteobacteria;D_3_Myxococcales;D_4_Haliangiaceae;D_5_Haliangium	1,128
D_0_Bacteria;D_1_Actinobacteria;D_2_Coriobacteriia;D_3_OPB41;D_4_uncultured bacterium;D_5_uncultured bacterium	1,099
D_0_Bacteria;D_1_Bacteroidetes;D_2_Ignavibacteria;D_3_SJA-28;Other;Other	1,091
D_0_Archaea;D_1_Euryarchaeota;D_2_Methanomicrobia;D_3_Methanosarcinales;D_4_Methanosaetaceae;D_5_Methanosaeta	1,017
D_0_Bacteria;D_1_Proteobacteria;D_2_Deltaproteobacteria;D_3_Deltaproteobacteria Incertae Sedis;D_4_Syntrophorhabdaceae;D_5_Syntroph	0,935
D_0_Bacteria;D_1_Proteobacteria;D_2_Deltaproteobacteria;D_3_SAR324 clade(Marine group B);D_4_uncultured bacterium;D_5_uncultured ba	0,928
D_0_Bacteria;D_1_Acidobacteria;D_2_Acidobacteriia;D_3_Solibacterales;D_4_Solibacteraceae (Subgroup 3);D_5_Bryobacter	0,920
D_0_Bacteria;D_1_Acidobacteria;D_2_Acidobacteriia;D_3_Solibacterales;D_4_Solibacteraceae (Subgroup 3);D_5_Paludibaculum	0,876
D_0_Bacteria;D_1_Actinobacteria;D_2_Thermoleophilia;D_3_Gaiellales;D_4_uncultured;Other	0,861
Unassigned;Other;Other;Other;Other;Other	0,831
D_0_Bacteria;D_1_Spirochaetes;D_2_Spirochaetia;D_3_Spirochaetales;D_4_Spirochaetaceae;D_5_Spirochaeta 2	0,772
D_0_Archaea;D_1_Euryarchaeota;D_2_Methanomicrobia;D_3_Methanosarcinales;D_4_Methanosarcinaceae;D_5_Methanosarcina	0,750
D_0_Bacteria;D_1_Bacteroidetes;D_2_Bacteroidia;D_3_Bacteroidales;D_4_SB-5;Other	0,705

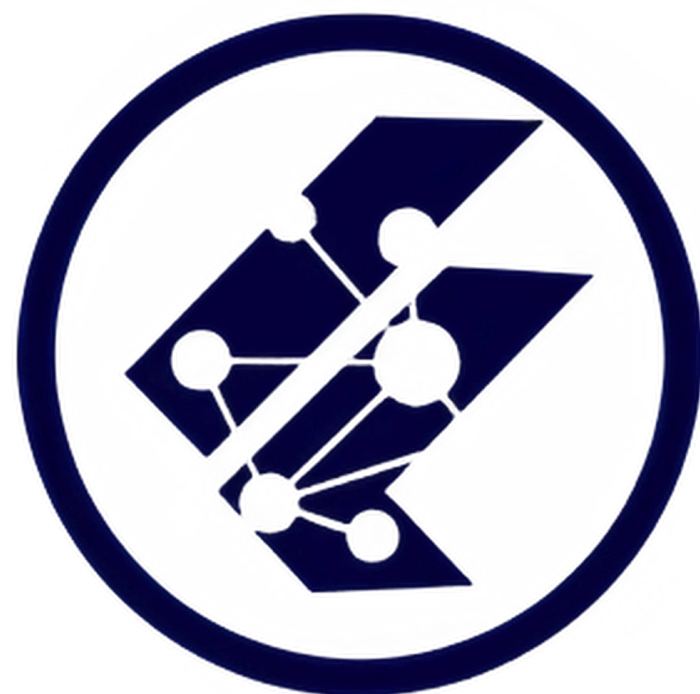


**Relatório de
Diversidade
Microbiana**

- **Análises antes e após o tratamento LEGUN: Acompanhamento na mudança da diversidade microbiana que é ativada pela Técnica de Tratamento;**
- **Método de demonstrar que o uso da microbiota total do local de ocorrência traz performance ao Processo de tratamento anaeróbico;**
- **Concorrentes de mercado usam bactérias isoladas, diminuindo a performance da lagoa que é por si só uma grande diversidade microbiana;**

LEGUN
**Inovação e eficiência a serviço de um
tratamento inteligente e personalizado**





LEGUN

BIOTECNOLOGIA



(11) 94999-6000



carlos.laia@legun.com.br



www.legun.com.br



Rua vereador Antônio Carlos de Souza, 503
Norte Sul - Santa Bárbara do Oeste-SP



@legun_bioteecnologia



Legun Biotecnologia



Acesse o QRcode
para mais
documentos